

第十一届江苏省生物信息学学术会议

第三轮会议通知

第十一届江苏省生物信息学学术会议将于 2021 年 12 月 4-5 日在南京召开。本次会议由江苏省生物医学工程学会生物信息学专业委员会主办，新格元生物科技有限公司和南京江北新区生物医药公共服务平台承办。

一、会议主题

本次会议旨在促进健康中国的实施，推进高校、研究所及企业的学术交流与科研合作，为江苏省生物信息学和生物医学大数据应用技术的发展及学术交流搭建良好的平台。本次会议主题为：**聚焦生物信息学前沿，共逐精准医学**。会议将特邀国内生物信息学领域著名专家介绍生物信息学最新研究进展，同时将安排专题学术报告。预计大会规模约 300 人，欢迎业内专家学者前来交流讨论。

二、部分受邀专家



陈润生院士

中国科学院生物物理

研究所

陈润生，中国科学院院士、欧亚科学院院士；生物物理研究所研究员、博士生导师；2008 年获得何梁何利基金科学与技术进步奖；2008 年获生物物理研究所建所 50 周年突出贡献个人奖；2012 年获谈家桢生命科学与成就奖；2013 年获国家科学技术进步二等奖（第一完成人）；国际人类基因组组织（HUGO）会员；国际数据库组织（CODATA）生物大分子专业组委员；国际纯粹及应用物理学会（IUPAP）生物信息学专业委员会委员；主要从事生物信息学研究，是我国最早从事理论生物学、生物信息学以及非编码 RNA 研究的科研人员之一。二十多年来在生物信息学领域进行了系统的研究，曾参加我国第一个完整基因组生热袍菌 B4 基因组序列的组装和基因标识，曾参加人类基因组 1% 和水稻基因组工作草图的研究。构建了收录非编码 RNA 及其基因的数据库 NONCODE，以及收录非编码 RNA 与其它生物大分子相互作用的数据库 NPInter，这两个数据库也已成为了国际在非编码 RNA 领域非常有影响力的数据库。



李霞教授

哈尔滨医科大学

李霞，博士、博士生导师，二级教授，国务院特殊津贴获得者、中国细胞生物学会功能基因组信息学与系统生物学会会长、“头雁”团队带头人、“龙江学者”特聘教授、哈尔滨医科大学生物信息科学与技术学院院长，省级优秀中青年专家、省级领军人才梯队带头人、北京“百千万人才工程”入选者、五洲女子科技奖获得者、省生物医学工程学(生物信息学)一级学科重点学科带头人。主持承担了国家 863、973、重大研发计划和国家自然科学基金等 16 项，在国外著名生命科学杂志《Nature Communication》等上发表 SCI 论文 200 余篇，累计 SCI 影响因子 2000 余点，获教育部奖、省部级奖、中华医学奖等 10 余项。率先创建了国内一流且规模最大的生物医学信息学创新型人才培养团队，创办了我国第一个生物信息学本科专业，主编了第一部全国高等学校临床医学专业八年制卫生部规划教材《生物信息学》（第一、第二版、第三版主编），为生物医学信息学的学科发展和人才培养做出重要贡献。



魏冬青教授

上海交通大学

上海交通大学生命学院生物信息与生物统计系以及微生物代谢国家重点实验室长聘教授。Nature-Springer SCI 期刊"Interdisciplinary Sciences – Computational Life Sciences" (2 区) 主编, "J. Mol. Graph and Modeling" 等 10 家杂志编委, 高被引学者。在 PRL, JACS 和 Gastroenterology 之上发表 SCI 文章 450 多篇, 主编专著 9 部, SCI 引用超过 10000 次, H 因子 58。获得横山亮次 (Yokoyama Ryōji) 奖, 上海交大科学技术奖, 上海市微生物学会抗疫突出贡献优秀会员, 中华医学奖二等奖, 上海市科学进步一等奖, 计算机协会自然科学二等奖和上海市优博导师称号。卫生信息学会大数据应用评估与保障专业委员会副主委、国际交叉科学学会会长。主持国家重点研发领域, 国家“863”, “973”, 基金委重点的项目。开发人工智能和计算机药物设计新方法并将其应用到药物设计和分子优化的实践中。

三、会议学术委员会、组织委员会

主席: 孙 啸 副主席: 方 南 宋晓峰 李 健 阚苏立

委员 (按照姓氏拼音先后排序):

白云飞 常国斌 常 珊 陈 兴 陈迪俊 崔 论 戴晓峰 丁彦蕊 杜建厂 范 珏 方 南
高 洁 龚乐君 郭 丽 郭雪江 何洁月 胡 广 胡俊峰 黄茉莉 计智伟 季星来 姜 伟
李 健 李明辉 李政伟 刘 锋 刘国庆 刘 辉 刘金定 刘学军 卢 辰 马 飞 潘沈元
沈百荣 沈晓沛 宋晓峰 孙 啸 汤斌华 汪强虎 王 进 王 俊 王 骏 王 亮 王 炜
王 勇 吴辉群 吴建盛 吴玉峰 谢雪英 徐辰武 许晓风 许晓军 业 宁 尹 荣 张 韬
张 昕 张长青 郑 珩 钟伯坚 周 军 周 学 朱 平 朱新宇

四、会议时间、地点

报到时间: 2021 年 12 月 4 日全天

正式会议时间: 2021 年 12 月 5 日全天会议

青年论坛时间: 2021 年 12 月 4 日 13:30 -17:30

生信分析前沿技术培训班: 2021 年 12 月 4 日 9:00-18:00

地点: 南京瑞斯丽酒店 (江苏省南京市浦口区江北新区浦滨路 207 号)

五、详细日程

12月4日, 9:00-18:00 生信分析前沿技术培训班

随着生命科学领域大数据的积累和应用, 对生物信息分析的需求也不断加强, 生物信息技术发展迅速, 新技术、新算法的开发与应用, 让数据挖掘越来越深入。本次生信培训班聚焦于生信前沿技术, 通过理论与实操部分相结合让大家掌握生信分析的方法与流程, 提高大家的生信分析能力。

时间	内容
9:00-10:00	单细胞数据科学中的关键过程
10:00-10:50	HLA3D 数据库工具与免疫治疗应用
10:50-11:00	茶歇
11:00-12:00	linux 基础和操作入门
12:00-13:00	午餐
13:00-14:00	R/Rstudio 基础和操作入门
14:00-15:00	单细胞转录组生信分析流程解析及 CeleScope 的使用
15:00-15:10	茶歇
15:10-16:30	Seurat 使用详解及单细胞数据可视化
16:30-18:00	细胞功能富集和转录因子调控分析

12月4日下午: 青年论坛

青年论坛将从大会征文摘要中遴选优秀学生(硕博)的研究成果, 做论坛报告。

时间	青年论坛题目	讲者
主持人: 李健		
13:30-13:45	G-四链体 RNA 在新冠病毒基因组中的分布及可能作用	张荣鑫
13:45-14:00	用于识别及可视化人类癌症基因组中超突变区域的 R 包	刘安娜
14:00-14:15	单细胞转录组测序揭示卵巢癌细胞侵袭转移轨迹及其分子机制	严玉娟
14:15-14:30	长期隔离环境中 DNA 甲基化动态模式的分析	侯 斐
14:30-14:45	Research and Application of Clustering Ensemble Technology Based on Granular Computing and Information Entropy	王烨程
14:45-15:00	基于动态路径演化方法的肝癌生物标志物分析	沈紫园
15:00-15:15	R-loopBase: 全基因组 R-loop 形成与调控的知识库	林若尧
15:15-15:45	茶歇	
主持人: 姜伟		
15:45-16:00	主调节子和 scRNA-seq 分析揭示 ZNF 蛋白抗 SARS-CoV-2 感染	秦士杰
16:00-16:15	RealVS: Towards Enhancing the Precision of Top Hits in Ligand-Based Virtual Screening of Drug Leads from Large Compound Databases	殷越铭
16:15-16:30	基于 PCC_MLRF 和多标签深度森林的中医辨证分析模型	陈诗琪
16:30-16:45	基于差异网络分析的离子辐射诱导肺癌的机制研究	宋一丹
16:45-17:00	Integrated Analysis of Monocyte Expression Profiles Identified a novel six-gene signature for Coronary Artery Disease risk	姚佳璐
17:00-17:15	HORDB, 激素肽综合数据库	孙 欣

12月5日: 第十一届江苏省生物信息学学术会议

	报告题目	讲者
主持人: 范珏		
8:30-8:50	开幕式致辞	
8:50-9:10	合影及茶歇	
主持人: 宋晓锋		
9:10-9:50	院士报告: 从大数据到精准医学, 到核酸药物	陈润生
9:50-10:20	Bioinformatics and Precision Medicine---生物信息学与精准医	李 霞

	学	
10:20-10:30	茶歇及展区互动参观	
	主持人：王进	
10:30-11:00	人工智能超级计算精准药物发现：抗衰老与新冠	魏冬青
11:00-11:30	单细胞多组学数据助力下一代精准医疗	方南
	主持人：陈兴	
11:30-11:50	生物信息学助力生物医药公共服务	阚苏立
11:50-12:10	面向基因组学应用的大内存解决方案	姚群力
	报告题目	讲者
	主持人：朱平、吴玉峰	
13:30-14:00	单细胞水平解析男性乳腺神经内分泌肿瘤微环境特征及发病机制	孙汉东
14:00-14:20	基于定量多组学分析的精准医学研究	陈芸
14:20-14:40	大数据时代下基于人工智能算法的药物相关预测研究	陈兴
14:40-15:00	基于液体活检数据的计算机辅助医疗诊断系统构建	李书艳
15:00-15:20	高精度蛋白质接触图预测	於东军
15:20-15:40	茶歇	
	主持人：於东军、刘辉	
15:40-16:00	多贝努利蚁群进化理论与自动多细胞跟踪	徐本连
16:00-16:20	环形 RNA 全长转录本组装定量的计算研究及在小鼠生殖腺组织中的应用	吴静
16:20-16:40	pHisPred: identification of protein histidine phosphorylation sites by integrating informative features into WSVM-RBF model	赵健
16:40-17:00	Using bioinformatics to predict potential T-cell epitopes for vaccine design against COVID-19	李健（梅雪吟）
17:00-17:30	大会闭幕式 颁奖仪式	宋晓锋
17:30-18:00	江苏省生物医学工程学会生物信息学专业委员会会议	

六、会议交通及住宿

南京站距离瑞斯丽酒店约 22 公里：打车约 30 分钟直达；**南京南站**距离瑞斯丽酒店约 21 公里：打车约 25 分钟直达；**江宁大学城、仙林大学城及南京市区**可乘坐会议大巴抵达会议地点。

本次会议期间食宿和交通自理。南京瑞斯丽酒店大床/双床协议价 500 元，其他酒店的住宿请自行联系。

七、会议注册

本次会议注册费收取如下：2021 年 10 月 31 日之前：正式代表（教师和博士后）500 元/人，研究生（博士生和硕士生）200 元/人。2021 年 10 月 31 日以后：正式代表（教师和博士后）600 元/人，研究生（博士生和硕士生）300 元/人。缴费成功后注册费不可退回，可换参会人。请将注册费通过银行汇款或手机银行转账到以下账户：

账户全称：新格元（南京）生物科技有限公司

账 号：548271530118

开户银行：中国银行南京江北新区分行营业部

汇款时请注明“生物信息学会议+姓名+单位”，并将支付截图或汇款凭证以及发票抬头和纳税人识别号信息发到邮箱 bioinfor2021@singleronbio.com，邮件标题：第十一届江苏省生物信息学学术会注册费凭据。**提前注册者请确保发票抬头信息准确，以邮件为准，一经开出不予修改。**

八、联系方式

会务联系人：万海波（13544340881）

征稿联系人：李 健（13052881142）

联系邮箱：bioinfor2021@singleronbio.com

江苏省生物医学工程学会生物信息学专业委员会

2021年11月18日