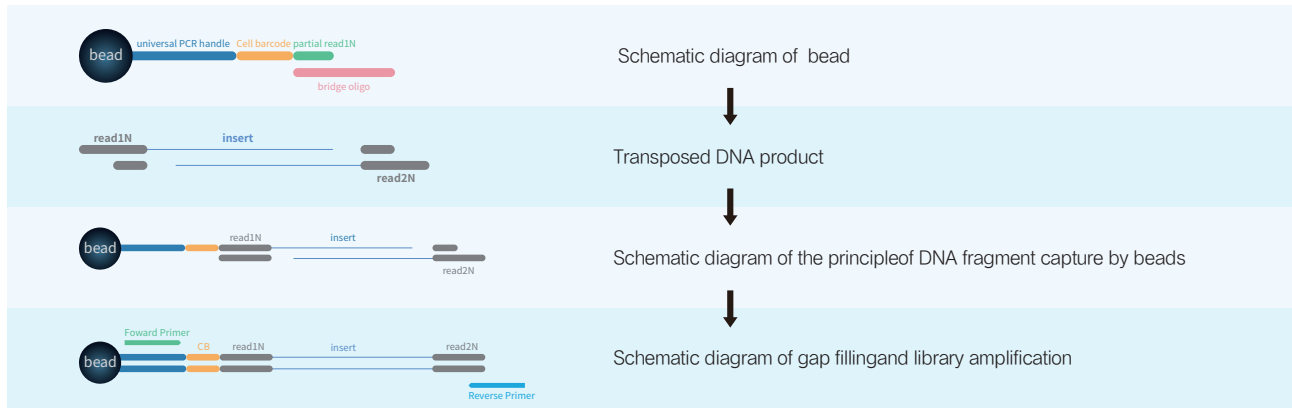
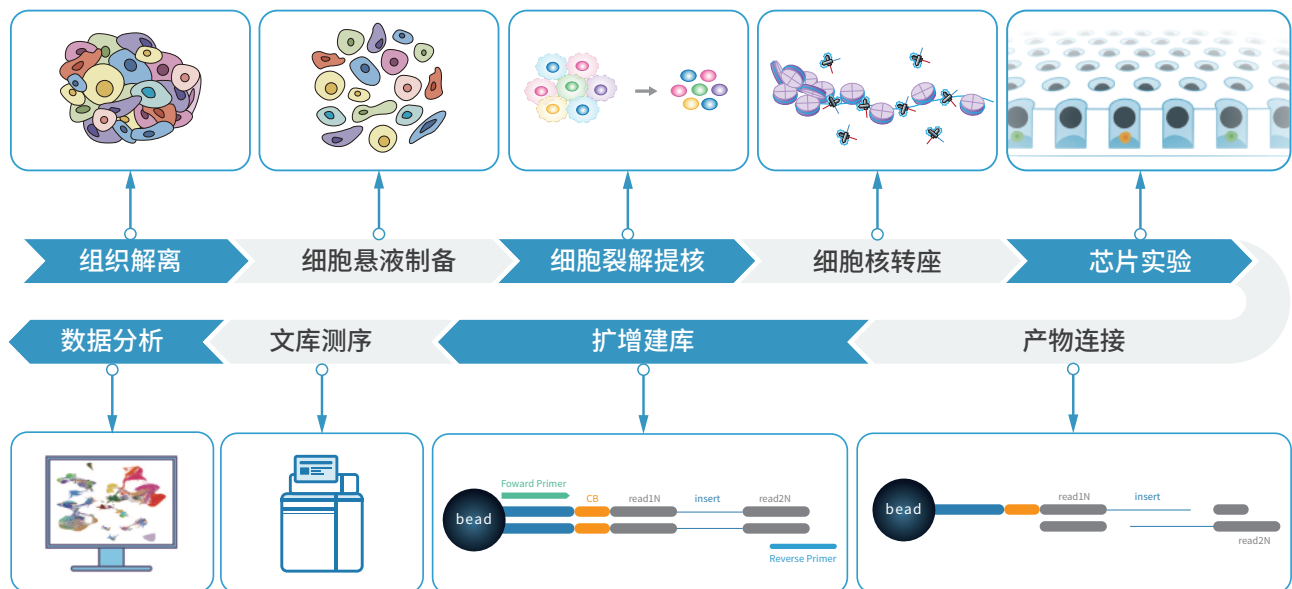


# 单细胞染色质可及性(scATAC)技术

新格元单细胞ATAC测序技术利用微流控系统，采用含测序接头的Tn5转座酶转座切割细胞染色质中的开放区域，再用特定的beads捕获切割后的产物，进而构建单细胞ATAC文库。一站式完成新鲜或冻存组织样本的细胞分离标记以及scATAC-seq文库构建。简化操作过程的同时，能有效地捕获转座产物，以单细胞水平研究染色质开放区域，了解成千上万个单细胞转录调控过程。

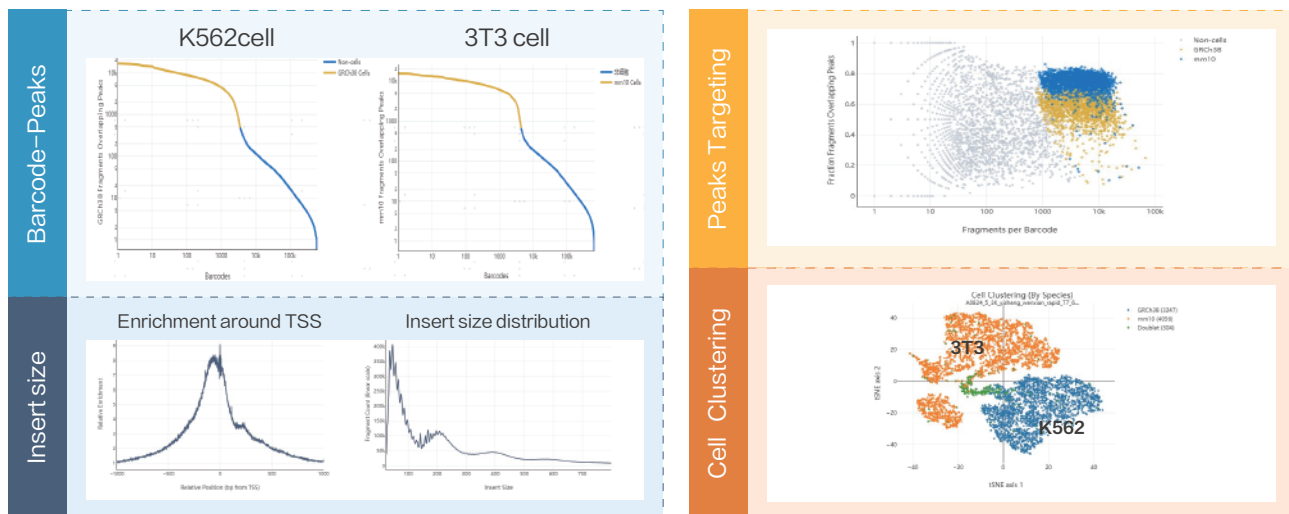


## 工作流程



## 数据展示

用等比例混合人源细胞系K562(GRCh38)和鼠源细胞系3T3(mm10)作为实验材料，按新格元scATAC-seq步骤完成细胞核提取、细胞核转座、细胞核分离、产物连接与文库构建，二代测序后用新格元celescope\_ATAC数据分析软件进行定量。从细胞系数据可以看出，新格元scATAC-seq指控数据一致性较高，如Enrichment around TSS、Insert size distribution、Peaks Targeting等，细胞分群图可以看出单细胞ATAC可以在表现水平刻画细胞类型或状态。



## 应用方向



地址：南京市江北新区药谷大道11号加速器二期06栋3-5层  
苏州市工业园区新泽路1号生物医药产业园三期A区1号楼401单元

邮箱：marketing@singleronbio.com  
产品售后邮箱：product-service-support@singleronbio.com

了解更多请访问  
www.singleronbio.com

欢迎致电新格元  
025-58165529

产品售后电话  
025-58862675

